

Monitoreo del Virus de la Tilapia Lacustre (TiLV) en Estaciones Experimentales de Acuicultura en Panamá.

Arosemena Cilini y Quintero Thelma.

Departamento de Desarrollo, Dirección General de Investigación y Desarrollo; Autoridad de los Recursos Acuáticos de Panamá, 07096. cilini.rosemena@arap.gob.pa, tquintero@arap.gob.pa.

El Virus de la Tilapia Lacustre (TiLV) se identificó y reportó oficialmente en el año 2014 en el Mar de Galilea, Israel. Representa una enfermedad infecciosa altamente virulenta con una elevada mortandad de tilapias silvestres y de cultivo, lo cual para el año 2017 generó por parte de la Organización para la Alimentación y Agricultura de las Naciones Unidas (FAO) una advertencia sobre este virus a nivel mundial.

En Panamá a través de la Autoridad de los Recursos Acuáticos de Panamá, previendo la afectación que podría ocasionar este virus sobre uno de los principales cultivos desarrollados en las estaciones experimentales, incorporó a partir del año 2018 el seguimiento al estatus sanitario de esta enfermedad en los reproductores y alevines utilizados para venta a pequeños y medianos productores, desarrollando un total de 4 muestreos entre los años 2018 al 2022.

La metodología aplicada en cada estación experimental dulceacuícola se realiza a través de muestreos aleatorios de individuos de cada unidad de producción, las tilapias (*Oreochromis niloticus*) son sacrificadas utilizando una sobredosis de benzocaína, para luego extraer una muestra 40 mg de hígado y/o cerebro con el propósito de obtener el material genético, el cual posteriormente es utilizado para correr el kit IQ Plus TMTiLV, herramienta que utiliza la tecnología de la reacción en cadena de polimerasa isotérmica aislada (iiPCR) para la detección de los ácidos nucleicos del virus.

Los resultados obtenidos hasta el momento en reproductores y alevines, durante las necropsias (exploración macroscópica) no evidenciaron cambios morfológicos que sugirieran la presencia del virus, lo cual se constata con los resultados negativos obtenidos a través de la iiPCR.